

## SARS-COV-2 (SARS-CORONAVIRUS-2) TYPNINGS-PCR

### MEDICINSK BAKGRUND

De första fallen orsakade av det nya coronaviruset uppmärksammades i Kina under december 2019.

Det nya coronaviruset har vid genetisk kartläggning uppvisat släktskap med SARS-coronavirus som orsakade ett globalt utbrott 2002-2003 och MERS-coronavirus. Det nya coronaviruset har getts beteckningen SARS-coronavirus-2 (SARS-CoV-2). Det är troligt att SARS-CoV-2, i likhet med coronavirusen från tidigare utbrott, har överförts till människa genom zoonotisk spridning.

SARS-CoV-2 är ett virus som primärt ger luftvägsinfektion. Den kliniska bilden kan variera från kortvarigt asymtomatiskt bärarskap till allvarlig lunginflammation – Severe Acute Respiratory Syndrome. Det kliniska sjukdomstillståndet har fått namnet covid-19 – Coronavirus Infectious Disease 2019.

Sedan 1 april 2022 klassificeras sjukdomen som anmälnings- och smittspårningspliktig sjukdom enligt smittskyddslagen (2004:168).

Sedan slutet av 2020 har nya varianter av SARS-CoV-2 fått stor spridning och betydelse för pandemiutvecklingen i vissa länder. Dessa benämns Variants Of Concern (VOC), det vill säga virusvarianter av särskild betydelse. VOC har genetiska förändringar som kan orsaka ökad smittspridning eller påverka immunitet efter infektion eller vaccination.

För att i ett tidigare skede uppmärksamma förekomst av vissa SARS-CoV-2 VOC kan SARS-CoV-2 typnings-PCR utföras.

### METOD/ANALYSPRINCIP

Påvisning av SARS-CoV-2 RNA Spike-genen med följande mutationer: N501Y, E484K och L452R.

För prover för vilka SARS-CoV-2 typnings-pcr begärts, förväntas svar senast två vardagar efter provets ankomst till laboratoriet för Klinisk mikrobiologi.

## SVAR/TOLKNING

SARS-CoV-2 RNA E484K mutation: PÅVISAT\*, Ej påvisat, Ej bedömbär, Ej utförd

Svarskommentar:

\* Mutationen finns bland annat i Pangolintyperna B.1.351, P.1 och R.1. Sekvensering av provet kommer att utföras. Separat svar följer.

SARS-CoV-2 RNA N501Y mutation: PÅVISAT#, Ej påvisat, Ej bedömbär, Ej utförd

Svarskommentar:

# Mutationen förekommer i Pangolintyperna B.1.1.529(omicron) och B.1.1.7.

SARS-CoV-2 RNA L452R mutation: PÅVISAT#, Ej påvisat, Ej bedömbär, Ej utförd

Svarskommentar:

\* Mutationen finns bland annat i Pangolintypen B.1.617.2 (delta). Sekvensering av provet kommer att utföras. Separat svar följer.

OBS! Ct-värde för de enskilda analyserna anges inte i svaret och lämnas inte heller ut vid förfrågan.